

### **Comment saisir un marqueur ?**

On peut saisir un marqueur :

- o soit en mode classique (quand vous n'avez que peu de marqueurs)
- o soit en utilisant un fichier (quand vous avez beaucoup de marqueurs)

### **Comment saisir un marqueur à l'écran ?**

Menu Marqueur - Nouveau Marqueur

Cette opération permet de stocker les informations relatives à un marqueur (nom du marqueur, origine, chromosome, séquence etc.). De la même manière que pour les animaux, des informations complémentaires et automatiquement mises à jour y sont présentées (polymorphisme, liste de allèles, liste des protocoles, etc.).

Seuls les champs gris sont saisissables.

**Tâche principale**

## MARQUEUR

**MARQUEUR**

**LOCALISATION**  
 Chromosome   
 cM   
 Position cytogénétique entre  et   
 Assignation par  
 Liaison génétique   
 Synthénie (H. S.)   
 In Situ

**STATUT**  (PCR) **ORIGINE**   
*Statuts Usuels*  
 PCR

**ALLELE**

N° All	Taille	Fréquence

Fourchette de reconnaissance des allèles

**POLYMORPHISME**  
 Taille Min  Nbre d'allèles   
 Taille Max  PIC sur FD   
 Testé sur  animaux

**TABLE DE DOMINANCE**

Nom du Phéno	All. Dominant	All 1	All 2

**PROTOCOLE**

**FLUOROPHORE**  
 Joe  Hex   
 Fam  6-Fam   
 Tamra  Tet   
 Ned

**PROTOCOLES EXPERIMENTAUX**

Proto	Couple	Cond	Nom Primer 1	Nom Primer 2

Création d'une table dominance +

Création d'un protocole non géré

Séquence & Profils

Paramètres d'interprétation

NOTES

- Séquence et profil :

Si le marqueur a déjà été étudié, il est possible de stocker deux images de son profil d'analyse. Pour cela il faut visualiser le profil (dans le logiciel Genescan, avec l'option Menu Results -See Electrophoretogram Results) et faire une copie d'écran (Pomme-Maj-3). Ouvrir le fichier créé (Ecran 1) qui se trouve au premier niveau du disque dur avec TeachText ou SimpleText en double cliquant sur le fichier, sélectionnons à la souris la zone de l'écran qui contient le profil et copions la dans le presse-papiers (copier). Revenons ensuite dans GEMMA en modification du marqueur concerné (Menu Marqueur -Modifier Marqueur ...). Après avoir cliqué sur le bouton "Voir Profils", une page apparaît et présente deux cadres. Cliquer sur l'un des deux (il devient noir), et coller l'image (Coller ou Pomme-V pour les Mac ou Ctrl-V pour les PC).

- Paramètre d'interprétation :

Dans l'optique de l'interprétation automatique sur séquenceur, il est également possible de saisir des paramètres décrivant le profil du marqueur, de manière à réaliser une analyse personnalisée pour chaque marqueur (donc plus efficace). Si ces paramètres ne sont pas précisés, l'interprétation automatique utilisera les paramètres par défauts. Le bouton "Voir Détails" permet de visualiser les profils correspondant aux différents paramètres.

#### **Comment saisir plusieurs marqueurs en même temps ?**

Saisir les marqueurs et leurs informations dans un fichier Excel. Vous devez saisir un marqueur et les informations s'y rapportant par ligne.

Sauvegarder la feuille en format "Txt (séparateur=tabulation)"

Dans Gemma,

- Cliquer sur "Utilisation Directe" dans le menu "Fichier"
- Cliquer sur "Import Marqueurs" dans le menu "Import données"
- Cliquer sur "Choisir Fichier"

Il est ensuite possible de choisir l'ordre des informations à importer (Marqueur, Origine, .etc.). Utilisez les "PopUp" pour faire votre choix. Le premier PopUp correspond à la première colonne, le deuxième à la seconde et ainsi de suite jusqu'au dernier. Pour vous aider, les premières lignes de votre fichier sont visualisées.

Le sens proposé par Gemma est "Nom Marqueur, Origine, Chromosome, Position, Statut, Notes".

La seule information obligatoire est "Nom Marqueur". Les autres sont facultatives et peuvent être complétées ultérieurement..

Gemma propose d'importer autant d'informations qu'il y a de colonnes dans votre fichier. Si vous n'avez saisi que 4 colonnes par exemple, Gemma propose 4 PopUp.

## IMPORTER DES MARQUEURS

**Fichier**

Le fichier doit être suffixé .txt

Sauvegarder le fichier Excel sous le format :

Texte (séparateur=tabulation)

**Données à importer**

Vous pouvez importer une ou plusieurs informations parmi les suivantes :

- Nom du Marqueur (10 caractères)\*
- Origine (10 caractères)
- Chromosome (2 caractères)
- Position (Numérique)
- Statuts (Voir Menu Fichier Codes des Sta
- Notes (Texte ne pas mettre de RC)

\* Donnée obligatoire

Si le Statut n'est pas connu, il est indiqué en erreur. Le Marqueur est ajouté dans ce cas là.

Choisir le Fichier : Choisir Fichier

Choisir les données à importer :

Nom Marqueur
Origine
Chromosome
Position
Statut
Notes

```

MARQUEUR1 INRA7 140 1 Essai sur marqueur
MARQUEUR2 INRA7 178 1 Voir si on peut mettre beaucoup de texte dans cette zone
MARQUEUR3 INRA7 189 1 Je ne suis pas sure du resultat
MARQUEUR4 INRA7 120 1 Voyons
MARQUEUR5 INRA7 234 71 Essai sur chromosome
MARQUEUR6 INRA7 650 72 Essai sur statut
MARQUEUR7 INRA7 890 121 Essai sur statut
          
```

Que faire si le Marqueur existe déjà :

**En Général**

Ne pas compléter

Compléter l'info

Remplacer l'info

**En Particulier**

Ne pas compléter Notes

Compléter Notes

Remplacer Notes

Importer

Annuler

Cliquer sur le bouton "Importer" pour importer.

Que fait Gemma ? Cela dépend de ce que vous avez demandé :

- Si le marqueur n'existe pas, toutes les informations sont ajoutées.
- Si le marqueur existe déjà,
  - o Si vous avez cliqué sur "Ne pas compléter", une erreur est indiquée et aucune information n'est ajoutée.
  - o Si vous avez cliqué sur "Compléter l'info", si l'information n'a pas déjà été saisie dans Gemma, elle est ajoutée sinon elle est perdue.
  - o Si vous avez cliqué sur "Remplacer l'info", si l'information a pas déjà été saisie dans Gemma, elle est modifiée sinon elle est ajoutée.
- Même traitement pour les "Notes" si le marqueur existe déjà :
  - o Si vous avez cliqué sur "Ne pas compléter Notes", l'information contenue dans le fichier n'est pas ajoutée.
  - o Si vous avez cliqué sur "Compléter Notes", si l'information a déjà été saisie dans Gemma, l'information contenue dans le fichier est ajoutée à celles déjà saisies.
  - o Si vous avez cliqué sur "Remplacer Notes", si l'information a pas déjà été saisie dans Gemma, elle est écrasée par celle contenue dans le fichier.

- Si le statut n'existe pas, un message d'erreur est indiqué mais cela n'affecte pas l'ajout du marqueur.

Un résumé est affiché pour vous permettre de voir les informations ajoutées ou non ajoutées et pourquoi elles ne le sont pas :



Vous devez ensuite valider ou non l'import :



#### **Comment modifier un marqueur ?**

Comme pour l'ajout, vous pouvez utiliser le mode classique ou un fichier de marqueurs :

- Mode classique : Cliquer sur "Modifier Marqueur" dans le menu "Marqueur".
- Fichier de marqueurs :
  - o Mettre à jour votre fichier de marqueurs en ajoutant ou en modifiant certaines informations.
  - o au moment de l'import, cliquer sur "compléter l'info" ou "remplacer l'info".

#### **Comment supprimer un marqueur ?**

Cliquer sur "Supprimer Marqueur" dans le menu "Marqueur". Attention, Gemma vous avertit :

Pour le moment, Gemma ne contrôle pas si le marqueur a été utilisé dans d'autres tables; c'est pourquoi cette opération est à manier avec beaucoup de prudence.

En effet, si vous validez la suppression du Marqueur, il se peut que la base devienne "**incohérente**". Pour le savoir, contrôler la cohérence des données en utilisant le "module de maintenance".